报价函

成都市中西医结合医院：

根据成都市中西医结合医院《当归补血汤调控枯否细胞糖酵解介导肝细胞组蛋白乳酸化促肝硬化残肝再生的作用机制》课题检测服务采购项目需求，我公司仔细研究，具体报价如下：

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| 序号 | 名称 | 参数 | 数量 | 规格 | 单价（元） | 总价（元） |
| 1 | 搭建完整人类蛋白质相互作用网络 | 通过系统整合已知的蛋白质相互作用数据库并进行数据质量控制，搭建完整的人类蛋白质网络 | 1 | 项 |  |  |
| 2 | 网络分离度(network separation) | 除直接的平均网络距离（即节点集A、B之间的节点平均距离)外，还可以用网络分离度描述节点间的距离。 | 1 | 项 |  |  |
| 3 | 网络邻近度（Network proximity） | 描述药物/中药或化合物的靶标集和症状关联蛋白集S之间邻近程度的网络指标 | 1 | 项 |  |  |
| 4 | 单体分子筛选 | 批量检索当归补血汤的化学成分，筛选出具有潜在活性的单体分子，形成《单体分子初筛清单》，完成 “初始物质池” 构建。 | 1 | 项 |  |  |
| 5 | 代谢产物预测 | 将初筛后的单体分子结构导入 BioTransformer 3.0 工具，选择 “人体肝脏代谢”“肠道菌群代谢” 等核心代谢途径，设置代谢反应规则（如氧化、还原、水解），批量预测各单体的代谢产物，输出代谢产物结构、生成路径及相对丰度，完善 “活性物质池” | 1 | 项 |  |  |
| 6 | 潜在靶点预测 | 将单体分子及代谢产物的 SMILES 结构上传至 SwissTargetPrediction 在线平台，设定物种为 “人类”，获取各物质对应的潜在靶点（如蛋白、酶、受体）；同时结合 DisGeNET、OMIM 等疾病数据库，筛选出与肝纤维化直接相关的靶点，建立 “物质 - 靶点 - 疾病” 关联表，形成《活性物质潜在靶点数据集》 | 1 | 项 |  |  |
| 7 | 单细胞测序 | 通过差异表达分析（DESeq2）筛选各细胞类群在肝纤维化进程中的差异表达基因；结合 GO 功能注释、KEGG 通路富集分析，明确不同细胞类群的功能变化及核心调控通路，整理成《肝纤维化单细胞转录组图谱证据集 | 3 | 例 |  |  |
| 8 | 肝纤维化类器官构建 | 用于做单体药物靶点验证 | 3 | 例 |  |  |
| 总计（元） | | | | |  |  |